

^b江苏省海洋水产研究所, 江苏南通 226007

结果

- *MmCDK7* cDNA全长为1296bp,共编码338个氨基酸,含有S_TKc、TyrKc催化结构域、T-loop以及cyclin的结合部位NRTAIRE等。
- *MmCDK7*在性腺以及多细胞时期的表达量最高。
- 在同一养殖条件下,红文蛤相对于黄文蛤的壳长相对增长率在2.79%-32.37%之间,且同一时间点的红文蛤*CDK7*表达量大多数情况下都高于黄文蛤。
- 上述结果表明, *CDK7*可能在文蛤生长发育过程中起到一定的调控作用。